

**Fiche de déclaration à l'Agence de biomédecine d'une lignée de CSEh dérivée en France**  
(une fiche par lignée à renvoyer à Agence de la biomédecine, direction juridique, 1 avenue du Stade de France, 93212 Saint Denis la plaine)

**1. COORDONNEES DE L'ETABLISSEMENT OU DE L'ORGANISME :**

<b>Organisme demandeur :</b> - Nom - Statut	INSERM EPST
<b>Responsable de l'activité:</b>	IGBMC Stéphane Viville I-Stem Marc Peschanski
<b>Origine et nature des cellules :</b> - Embryon surnuméraire - Embryon non transférable - Diagnostic préimplantatoire	<input type="checkbox"/> L.2151-5 <input type="checkbox"/> L.2141-3 <input type="checkbox"/> L.2131-4
<b>Intitulé du protocole de recherche :</b>	Dérivation et amplification de lignées de CSEh porteuses de mutations à l'origine de maladies monogéniques
Registre(s) sur lesquels vous avez déclaré la lignée :	
Projet(s) de recherche en France à qui vous avez cédé la lignée :	

**2. CARACTERISTIQUES DE LA LIGNEE : PATHOLOGIE : ATAXIE SPINOCEREBELLEUSE DE TYPE 2**

**2.1 CODE AFFECTE A LA LIGNEE**

par votre laboratoire : STR-I-221-SCA2

par l'Agence de la biomédecine : FE08-081-L1

**2.2 NOMBRE DE PASSAGES AU MOMENT DE LA DECLARATION : ...**

**2.3 IDENTIFICATION DE LA PLURIPOTENCE :**

Morphologie

Congélation/décongélation

Marqueurs de surface : SSE3  FACS  Autre

SSEA4  FACS  Autre

TRA-1-60  FACS  Autre

TRA-1-81  FACS  Autre

Marqueurs transcriptionnels : POUF5F1

Nanog  RT ou Q-PCR  ou Microarray  ou Protéine (Facs ou IHC)   
 Sox2  RT ou Q-PCR  ou Microarray  ou Protéine (Facs ou IHC)   
 DNMT  RT ou Q-PCR  ou Microarray  ou Protéine (Facs ou IHC)   
 TDGF  RT ou Q-PCR  ou Microarray  ou Protéine (Facs ou IHC)   
 GDF  RT ou Q-PCR  ou Microarray  ou Protéine (Facs ou IHC)   
 Autres : miRNA  ..... ..... .....

#### 2.4 DIFFERENCIATION DANS LES 3 FEUILLETS GERMINAUX

*In Vitro* : corps embryoides micorarray  immunohistologie   
 Présence ectoderme+endoderme+mésoderme : oui  non   
 Passage(s) testé(s) : aucun

*In Vivo* : formation de tératomes oui  non  non fait   
 Présence ectoderme+endoderme+mésoderme : oui  non   
 Si non, quels feuillets :  
 Technique analyse : Histologie  IHC   
 Lignée de souris :  
 Passage(s) testé(s) :

#### 2.5 CARYOTYPE

Date du 1° caryotype et passage : 10/09/2008 à passage 9, caryotype : 46,XX  
 Technique : G-banding  Autre  mFISH  
 Répétition à passages :  
 Modifications du caryotype :

#### 2.6 CULTURE/CONGELATION

Dérivation à partir de la masse interne  ou de l'embryon entier   
 Extraction zone pellucide : oui  non   
 Dissociation de la masse interne : mécanique  enzymatique   
 Milieu de culture initial :  
 Feeder des cellules initiales : oui  non  cellules animales   
 humaines   
 Technique de passage enzymatique : oui  non  autre

#### 2.7 PROFIL IDENTITE (STR, SNP) oui non